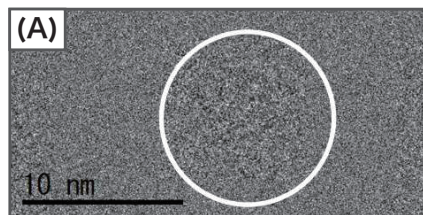
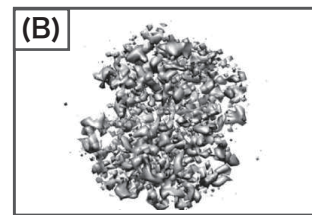
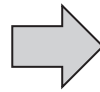


GRIPS 【新発売】クライオ TEM 用自動パーティクル・ピッキング・ソフト

- ・ノイズに埋もれた単粒子を確実に自動でピッキングします (特許出願済)
- ・RELIONの前処理に最適、手動ピッキングが不要になります
- ・低デフォーカスでも粒子抽出が可能となるので、高分解能な3次元構造が期待されます



GRIPS で自動ピッキングしたヘモグロビン
(elbis を用いたシミュレーション像)



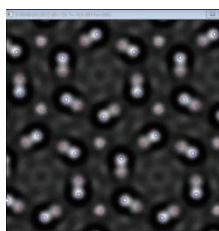
RELION による再構成

elbis GPU 対応超高速 TEM 像シミュレーション・ソフト

2020 年度中は、当社創立 10 周年を記念し、永久ライセンスを 1 本 200 万円
(アカデミア 190 万円) でご提供しています。

- ・GPU内臓ノートPCで、従来のCPUに比して20~500倍の高速計算を実現(当社比)
- ・収差補正を含む、全てのTEMの光学条件を考慮したマルチスライス計算を行います。

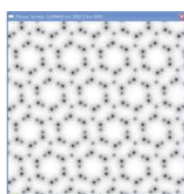
Simulation images of Fhkl, phase grating, diffraction, at 300kV (Aberration Corrected TEM β -Si₃N₄)



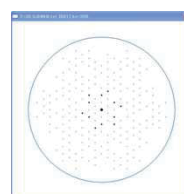
TEM image



Fhkl crystal
structure factor



Phase grating



Diffraction
(multi-slice method)



Dialog-box

(株) バイオネット研究所



- URL : <http://www.bio-net.co.jp/>
- elbis URL : <http://www.bio-net.co.jp/SP-elbis/index.html>
- 住所 : 東京都立川市錦町 2-3-28 アルブ立川ビル 2F
- TEL : 042-512-9021 ■ FAX : 042-512-9022

NMR アプリケーション・ソフト ALICE シリーズ販売中



トライアルのご希望・お問い合わせは、担当江口 (eguchi@bio-net.co.jp) まで